GENOMIA
genetic laboratory

Zpráva o výsledku zkoušky #012345

Detekce SINE inzerce v SILV genu
způsobující merle zbarvení

Zákazník: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic
Vyšetřovaný:
Vzorek: 21-12345
Datum přijetí vzorku: 01.02.2021
Vyšetřovaný materiál: krev

Údaje poskytnuté zákazníkem
Jméno: Lassie DEMO
Rasa: Plemeno
Tetovací číslo: 1392013
Mikročip: 123 456 789 012 345
Registrační číslo: REGQ12345
Datum narození: 1.1.2020
Pohlaví: samice
Datum odběru: 01.02.2021
Při odběru byla ověřena identita jedince.

Výsledek: m/Mc (Mc ~ 222A)

Komentář k výsledku

Byla testována přítomnost či nepřítomnost inzerce SINE v genu SILV, která vede k neschopnosti buněk produkovat normální eumelanin. Míra projevu ve fenotypu je spojena s variabilní délkou inzertované polyA sekvence (řetězec opakujících se párů bází, který je jednou ze součástí SINE inzerce). Čím je inzertovaná polyA sekvence delší, tím větší míru projevu merle ve fenotypu lze pozorovat.

Alely lokusu merle:

- m non-merle (původní, bez přítomnosti inzerce SINE)
- Mc kryptické merle (délka polyA 200 – 230 bp)
- Mc+ kryptické merle + (délka polyA 231 – 246 bp)
- Ma atypické merle (délka polyA 247 – 254 bp)
- Ma+ atypické merle + (délka polyA 255 – 264 bp)
- M merle (délka polyA 265 – 268 bp)
- Mh harlekýn merle (délka polyA 269 – 280 bp)

Existuje 28 možných genotypů merle: m/m, m/Mc, Mc/Mc, Mc/Mc+, m/Mc+, Mc+/Mc+, m/Ma, Mc/Ma, Mc+/Ma, Ma/Ma, m/Ma+, Mc/Ma+, Mc+/Ma+, Ma/Ma+, Ma+/Ma+, m/M, Mc/M, Mc+/M, Ma/M, Ma+/M, M/M, m/Mh, Mc/Mh, Mc+/Mh, Ma/Mh, Ma+/Mh, M/Mh, Mh/ Mh.

Celkem 14 alelických kombinací způsobuje deleci pigmentu na bílou barvu: Mc+/Ma+, Ma/Ma+, Ma+/Ma+ Mc+/M, Ma/M, Ma+/M, M/M, m/Mh, Mc/Mh, Mc+/Mh, Ma/Mh, Ma+/Mh, M/Mh, Mh/Mh.

U 8 alelických kombinací hrozí riziko zdravotního postižení: M/M, m/Mh, Mc/Mh, Mc+/Mh, Ma/Mh, Ma+/Mh, M/Mh, Mh/Mh.

Pes může být i merle mozaika, tzn. může nést několik typů merle alel ve svých buňkách. Ve výsledku jsou uvedeny všechny detekované majoritní a minoritní alely v testovaném vzorku. Minoritní alely jsou uváděny v závorkách [] .

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke zkoušenému vzorku, tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.

SAMPLE

Metoda: SOP176-merle, fragmentační analýza

Datum vystavení zprávy: 06.02.2021
Datum provedení zkoušky: 01.02.2021 - 06.02.2021
Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře

SAMPLE

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.
Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.
Výsledek se vztahuje pouze ke zkoušenému vzorku, tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.