

Zákazník: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 21-12345

Datum přijetí vzorku: 01.02.2021

Vyšetřovaný materiál: krev

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Tetovací číslo: 1392013

Mikročip: 123 456 789 012 345

Registrační číslo: REGQ12345

Datum narození: 1.1.2020

Pohlaví: samice

Datum odběru: 01.02.2021

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Výsledek: m/Mc (Mc ~ 38T)

Komentář k výsledku

m - normální alela bez merle

M - merle alela, v závorce je uveden přibližný počet T v polyT sekvenci - čím delší sekvence, tím výraznější merle fenotyp.

Míru projevu merle lze vyjádřit:

- délka polyT sekvence < cca 63 T - cryptic merle (Mc)
- délka polyT sekvence cca 63-73 T - dilution merle (Md)
- délka polyT sekvence cca 74-85 T - merle (M)
- délka polyT sekvence cca 86 a více T - harlekýn (Mh)

Pes může být merle mozaika, tzn. může nést několik typů merle alel ve svých buňkách. Ve výsledku je uvedena nejdelší zjištěná alela v testovaném vzorku. Mezigeneračně může dojít ke zkrácení nebo prodloužení merle alely.

Obecně není vhodné spolu křížit psy s merle alelami z důvodu zdravotních rizik.

Metoda: SOP176-merle, fragmentační analýza

Datum vystavení zprávy: 06.02.2021

Datum provedení zkoušky: 01.02.2021 - 06.02.2021

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999