

**Zákazník:** Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 08-12360

Datum přijetí vzorku: 04.03.2009

Vyšetřovaný materiál: tkáň

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Označení vzorku: Výlet na kokořín**

**Jméno jedince napadeného klíštětem: Jiří Novák**

Datum vyjmutí klíštěte: 31.01.2009

Datum odběru: 05.03.2009

Výsledek:

**Komentář k výsledku**

Pro druhovou identifikaci byla amplifikována oblast kódující 16S podjednotku ribozomální RNA (S16 rRNA). Tato oblast obsahuje konzervované i variabilní oblasti. Molekulárně biologická metoda v kombinaci s bioinformatikou poskytuje spolehlivou metodu pro taxonomickou klasifikaci.

Vzorek DNA byl amplifikován a následně byla provedena přímá sekvenace oblasti S16 rRNA mtDNA (Yang et al 2014). Výsledná sekvence byla porovnána s databází BLAST pro určení živočišného druhu.

Metoda: SOPSOP172-mtDNA, přímé sekvenování DNA

Datum vystavení zprávy: 09.03.2009

Datum provedení zkoušky: 04.03.2009 - 09.03.2009

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.