

Detektion von Genvarianten c.916C>T des MC1R-Gens (Lokus E), die für die Fellfarbe bei Hunden verantwortlich sind

Besteller: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Probe:

Probenummer: 21-12345

Eingangsdatum: 01.02.2021

Probentyp: Blut

Angaben des Kunden

Name: Lassie DEMO

Rasse: Plemeno

Tätowier-Nummer: 1392013

Microchip: 123 456 789 012 345

Registriernummer: REGQ12345

Geburtsdatum: 1.1.2020

Geschlecht: Weibchen

Datum der Probenahme: 01.02.2021

Identität des Tieres bei der Probenentnahme überprüft.

Ergebnis: E/e

Interpretierung der Ergebnisse

Es wurde die Anwesenheit der Genvarianten c.916C>T des MC1R-Gens (Melanocortin-1-Rezeptor) untersucht. Es handelt sich um ein Allel, das als Locus E (Extension) bezeichnet wird. Ursprüngliches, so-genanntes Wildtyp-Allel wird mit E gekennzeichnet. Die rezessive Genvariante c.916T (Allel e) führt zum Verlust der Funktion des MC1R-Gens.

Der Genotyp e/e wird durch rote oder gelbe Fellfarbe ausgeprägt. Die phänotypische Ausprägung des Allel e wird autosomal rezessiv vererbt. Die Anlage für die Farbe zeigt sich nur bei Hunden (e/e), die die Genvariante c.916T von beiden Eltern erhalten. Heterozygote Hunde E/e sind Träger des Allel e.

Methode: SOPAgriseq_canine, ngs, akkreditierte Methode

Berichtausgabedatum: 06.02.2021

Untersuchungsdatum: 01.02.2021 - 06.02.2021

Freigegeben: Mgr. Martina Šafrová, Laborleiterin



Genomia ist ein ISO/IEC 17025:2018 akkreditiertes Subjekt – Nr. 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Der Berichtverifizierungscode ist 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Zur Überprüfung gehen Sie auf www.genomia.cz.

Der Prüfbericht darf nur als ein Ganzes reproduziert werden, ansonsten nur mit der Zustimmung des Labors. Das Ergebnis bezieht sich nur auf die entgegengenommene Probe. Genomia übernimmt keine Verantwortung für die Richtigkeit der durch den Kunden gewährten Angaben.