

Detekcja insercji genu RSPO2 wpływającej
na cechy brwi i brody lub powodującej
niestandardową okrywę włosową u wielu
ras psów

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Badany próbką:

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Na podstawie badania mutacji określono genotyp wt/ins

Wyjaśnienie wyników

Zbadano obecność lub brak insercji 167 bp w regionie 3'UTR genu RSPO2 wpływającego na cechy brwi i brody u wielu ras psów i powodującego niewłaściwą sierść (IC) u portugalskich psów wodnych, labradoodle i hawańczyków.

Cechy brwi i brody są dziedziczone w sposób dominujący. Oznacza to, że pies z cechami brwi i brody jest nosicielem insercji w RSPO2 na jednym lub obu allelach (genotypy ins/wt lub ins/ins). Pies bez znamion jest nosicielem dwóch oryginalnych alleli typu dzikiego (wt/wt) bez insercji w genie RSPO2.

IC u portugalskich psów wodnych, labradoodle i hawańczyków jest dziedziczona autosomalnie recesywnie. Oznacza to, że IC pojawi się tylko u osób, które odziedziczyły allel typu dzikiego od obojga rodziców (wt/wt). Osobniki heterozygotyczne (ins/wt) będą nosicielami bez fenotypowych objawów IC. Osobniki z insercją w obu allelach (ins/ins) będą miały standardową okrywą włosową. W przypadku kojarzenia dwóch nosicieli, 25% potomstwa w miocie będzie teoretycznie miało niestandardowy typ umaszczenia, 50% będzie nosicielami bez ekspresji fenotypowej, a 25% będzie miało typowy typ umaszczenia.

Metoda: SOP171-RSPO2, analiza fragmentacyjna

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.