

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic**Badany próbką:**

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO**Rasa:** Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)

Wyjaśnienie wyników

Przeprowadzono badanie obecności lub braku mutacji c.452A>C w genie JPH2, prawdopodobnie związanej z postępującym zanikiem siatkówki (PRA, Progressive Retinal Atrophy) u psów rasy Shih Tzu. Badania w innych rasach nie zostały przeprowadzone. Postępujący zanik siatkówki stanowi dużą grupę chorób dziedzicznych będących jedną z głównych przyczyn ślepoty u różnych ras psów. Objawy zwykle rozpoczynają się ślepotą nocną, po której następuje stopniowa utrata widzenia dziennego, a ostatecznie ślepota niezależnie od warunków oświetleniowych.

Mutacja ta jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Oznacza to, że jedynie psy o genotypie P/P, które odziedziczyły zmutowany allel od obojga rodziców, są zagrożone wystąpieniem PRA. Psy o genotypie N/P są klinicznie zdrowymi nosicielami mutacji, jednak mogą przekazywać ją swojemu potomstwu. W przypadku skojarzenia dwóch heterozygotycznych osobników (N/P) teoretycznie 25% potomstwa będzie wolne od mutacji (N/N), 50% będzie nosicielami (N/P), a 25% potomstwa (P/P) odziedziczy zmutowany allel od obojga rodziców i będzie zagrożone wystąpieniem PRA.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.

1 / 1