

Wykrywanie mutacji c.101dup w genie SERPINE1 powodującej hiperfibrynozę u angielskich springer spanieli i walijskich springer spanieli

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Badany próbka:

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)

Legenda: N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)

Wyjaśnienie wyników

Sprawdzono obecność lub brak mutacji c.101dup w genie SERPINE1 powodującej hiperfibrynozę u angielskich springer spanieli i walijskich springer spanieli. Jest to zaburzenie hemostazy, a objawy kliniczne są związane z upośledzoną stabilnością skrzepu krwi.

Mutacja powodująca hiperfibrynozę dziedziczona jest autosomalnie recesywnie, co oznacza, że choroba rozwija się wyłącznie u psów, które odziedziczyły zmutowany allel od obojga rodziców; choroba dotyczy tylko psów o genotypie P/P. Psy o genotypie N/P są uznawane za nosicieli choroby (heterozygoty). U potomstwa dwóch heterozygot można oczekiwać następującego rozkładu genotypów: 25% N/N, 25% P/P oraz 50% N/P.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.