

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Badany próbka:

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)

Legenda: N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)

Wyjaśnienie wyników

Zbadano obecność lub brak mutacji c.8392delC w genie CUBN, powodującej IGS (zespół Imerslunda-Gräsbecka) lub jelitowe zaburzenia wchłaniania kobalaminy u border collie. IGS jest chorobą metaboliczną występującą u tej rasy. Objawy pojawiają się wcześnie, między 6. a 12. tygodniem życia psa, i obejmują zahamowanie wzrostu oraz przewlekły brak apetytu. U chorych psów mogą występować neutropenia, niedokrwistość nieregeneratywna, anizocytoza i poikilocytoza, zmiany megaloblastyczne w szpiku kostnym, obniżony poziom kobalaminy (Cbl), kwasica metylomalonowa oraz homocysteinemia.

Mutacja powodująca IGS u border collie jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Oznacza to, że choroba występuje wyłącznie u psów o genotypie P/P. Psy o genotypie N/P są uznawane za nosicieli choroby (heterozygoty) — są zdrowe, ale mogą przekazywać mutację swojemu potomstwu. W potomstwie dwóch heterozygot można oczekiwać następującego rozkładu genotypów: 25% N/N, 50% N/P oraz 25% P/P.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS, w zakresie akredytacji

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia jest akredytowana zgodnie z normą ISO/IEC 17025:2018, numer akredytacji 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.