

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Badany próbka:

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)

Legenda: N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)

Wyjaśnienie wyników

Zbadano obecność lub brak genu c.1981G>A ADAMTS10 powodującego POAG (jaskrę pierwotną otwartego kąta) u rasy beagle. POAG charakteryzuje się podwyższonym ciśnieniem wewnątrzgałkowym, utratą komórek zwojowych siatkówki i zanikiem nerwu wzrokowego. Objawy kliniczne pojawiają się u beagle w wieku od 9 do 18 miesięcy. Zwykle różnią się one znacznie, w zależności od czasu trwania i szybkości wystąpienia choroby oraz wieku psa.

Mutacja powodująca POAG u rasy Beagle jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Choroba występuje tylko u psów, które mają mutację w obu kopiach genu ADAMTS10 (psy P/P pozytywne/pozytywne). Nosiciele zmutowanego genu (N/P, tj. negatywni/pozytywni) są klinicznie zdrowi, ale mogą przekazać mutację swojemu potomstwu. W przypadku kojarzenia dwóch heterozygotycznych osób (N/P), teoretycznie 25% potomstwa będzie całkowicie zdrowe, 50% potomstwa nosiceli i 25% potomstwa odziedziczy zmutowany gen od obojga rodziców i będzie dotknięte POAG.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS, w zakresie akredytacji

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia jest akredytowana zgodnie z normą ISO/IEC 17025:2018, numer akredytacji 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.