

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic**Badany próbką:**

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO**Rasa:** Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)**Legenda:** N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)**Wyjaśnienie wyników**

Zbadano obecność lub brak mutacji c.143G>C genu COL11A2 powodującej dysplazję szkieletową 2 (SD2) u rasy labrador retriever. Psy dotknięte SD2 mają zazwyczaj krótkie nogi o normalnej długości i szerokości ciała. Długość przednich kończyn została opisana jako mniejsza niż 55 cm u samców i mniejsza niż 50 cm u samic, podczas gdy międzynarodowy standard rasy (FCI) określa 56-57 cm u samców i 54-56 cm u samic. Nie zaobserwowano żadnych innych wtórnych objawów choroby. Psy nie mają upośledzonego słuchu ani wzroku i nie cierpią na inne problemy ze stawami.

Mutacja powodująca SD2 jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Oznacza to, że choroba ujawni się tylko u osobników P/P, które są nosicielami mutacji w obu allelach genu COL11A2. Osoby heterozygotyczne (N/P) nie rozwijają choroby, ale są jej nosicielami. Jeśli dwie heterozygoty (N/P) są kojarzone, teoretycznie 25% potomstwa będzie zdrowe, 50% będzie nosicielami, a 25% odziedziczy zmutowane geny po rodzicach, a zatem będzie dotknięte SD2.

Test nie wyklucza obecności mutacji odpowiedzialnej za inną formę dysplazji szkieletowej.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.

1 / 1