

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic**Badany próbką:**

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO**Rasa:** Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: N/N**Legenda:** N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)**Wyjaśnienie wyników**

Zbadano obecność lub brak mutacji c.622-37-31del i c.545_547dupACA genu LHX3 powodujących karłowatość przysadkową lub karłowatość u ras owczarek niemiecki, saarloos, wilczak czechosłowacki i terier tybetański. Choroba charakteryzuje się zwyrodnieniem przysadki mózgowej i późniejszym niedoborem hormonów przysadkowych. Głównymi objawami klinicznymi choroby są opóźnienie wzrostu, utrzymująca się szczenięca sierść z objawami łysienia. Zwierzęta dotknięte chorobą mogą być normalnej wielkości w pierwszych tygodniach życia. W okresie między 3. a 4. miesiącem życia różnice są już widoczne.

Mutacje powodujące karłowatość są dziedziczone w sposób autosomalny recesywny. Choroba pojawia się tylko u osób, które mają mutację w obu kopiach genu LHX3 (osoby P/P pozytywne/pozytywne). Nosiciele zmutowanego genu (N/P, tj. negatywni/pozytywni) są klinicznie zdrowi, ale mogą przekazać mutację swojemu potomstwu. Jeśli kojarzone są dwie osoby heterozygotyczne (N/P), teoretycznie 25% potomstwa będzie całkowicie zdrowe, 50% potomstwa nosicieli i 25% potomstwa odziedziczy zmutowany gen od obojga rodziców i będzie dotknięte karłowatością.

Metoda: SOP171-dwarfism, analiza fragmentacyjna

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.

1 / 1