

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Badany próbką:

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: e^H allel nieobecny

Wyjaśnienie wyników

Zbadano obecność lub nieobecność wariantu c.250G>A genu MC1R, który jest wariantem e^H locus. Allel e^H jest odpowiedzialny za umaszczenie sobolowe u amerykańskich i angielskich cocker spanieli. Ekspresja e^H u innych ras nie jest wykluczona.

Hierarchia ekspresji wariantów locus E jest następująca: $E^M > E > e^H > e$. Ten test dostarcza informacji tylko o wariancie e^H , a nie o całym locus E.

Jeśli allel e^H jest obecny w genotypie w połączeniu z allelem E^M lub E, który jest dominujący w stosunku do niego, wynikowy fenotyp nie będzie odzwierciedlał sable. Sable wystąpi tylko wtedy, gdy allel e^H zostanie połączony z innym allelem e^H lub allelem e .

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS, w zakresie akredytacji

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia jest akredytowana zgodnie z normą ISO/IEC 17025:2018, numer akredytacji 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.