

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic**Badany próbką:**

Próbka: 08-12346

Data otrzymania: 01.01.2008

Typ próbki: wymaz z błony śluzowej jamy ustnej

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Madame Théophile DEMO**Rasa:** Persian cat

Data urodzenia: 31.12.1909

Numer rejestracyjny: (CZ)ABCD EF 123/45/XYZ

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Płeć: samica

Data pobrania: 01.01.2008

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)**Wyjaśnienie wyników**

Zbadano obecność lub brak mutacji c.2458C>T genu MYBPC3 (R820W), która jest uważana za odpowiedzialną za kardiomiopatię przerostową (HCM) u kotów rasy ragdoll. W HCM ściana lewej komory i przegroda międzykomorowa są pogrubione (przerośnięte). Objawy, które mogą towarzyszyć chorobie, obejmują duszność, niską aktywność fizyczną kota, od ograniczonej mobilności do paraliżu nóg, zmniejszony apetyt, kaszel, omdlenia (krótkotrwała utrata przytomności u kota). Arytmie i szmery o różnym nasileniu są również konsekwencją zmian w mięśniu sercowym. Choroba może ujawnić się w każdym wieku.

Mutacja R820W w genie MYBPC3 jest dziedziczona w sposób autosomalny dominujący. Oznacza to, że choroba objawia się u kotów posiadających jeden lub dwa zmutowane allele - N/P (negatywne/pozytywne) lub P/P (pozytywne/pozytywne) - przy czym koty P/P mają bardziej nasilone objawy kliniczne. Koty z wynikiem N/N są zdrowe. Krzyżówki między kotami N/P i N/N dają połowę zdrowych osobników (N/N) i połowę chorych (N/P).

Metoda: SOPAgriseq_feline, MPS

Data wystawienia raportu: 06.01.2008

Data przeprowadzenia testu: 12.06.2008 - 06.01.2008

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.

1 / 1