

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Badany próbka:

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO

Rasa: Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)

Legenda: N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)

Wyjaśnienie wyników

Zbadano obecność lub brak mutacji c.73C>T genu VMD2 powodującej CMR1 (Canine Multifocal Retinopathy type 1) u psów rasy pirenejskiej wielkiej, mastifa angielskiego, bullmastifa, owczarka australijskiego i ras pokrewnych. Mutacja ta prowadzi do powstania przedwczesnego kodonu stop (R25X) w psim genie VMD2; gen ten jest odpowiedzialny za prawidłowe składanie nabłonka barwnikowego siatkówki. Choroba objawia się podsiatkówkową akumulacją materiału, powodując szaro-różowe zmiany. CMR zwykle rozwija się bardzo wcześnie, przed ukończeniem przez szczenię czwartego miesiąca życia. Całkowita utrata wzroku następuje zazwyczaj dopiero w starszym wieku.

Mutacja powodująca CMR1 jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Dlatego choroba występuje tylko u psów P/P, które otrzymały zmutowany gen od obojga rodziców. Heterozygotyczne osoby N/P nie rozwijają choroby, ale są jej nosicielami. Dlatego też, gdy dwie heterozygoty są kojarzone, teoretycznie 25% potomstwa będzie zdrowe (N/N), 50% będzie nosicielami (N/P), a 25% (P/P) odziedziczy zmutowany gen od rodziców i będzie dotknięte CMR1.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS, w zakresie akredytacji

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia jest akredytowana zgodnie z normą ISO/IEC 17025:2018, numer akredytacji 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.