GENOMIA
genetic laboratory

Świadectwo wyników #012345

Detekcja wariantów genu c.916C>T MC1R genu (locus E) odpowiedzialnego za wybarwienie zabarwienie sierści u psów

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic
Badany próbka:
Próbka: 21-12345
Data otrzymania: 01.02.2021
Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta
Nazwisko: Lassie DEMO
Rasa: Plemeno
Numer tatuażu: 1392013
Mikroczip: 123 456 789 012 345
Numer rejestracyjny: REGQ12345
Data urodzenia: 1.1.2020
Płeć: samica
Data pobrania: 01.02.2021
Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: E/e

Wyjaśnienie wyników

Zbadano obecność wariantów genu c.916C>T genu MC1R (receptora melanokortyny 1). Pierwotny allel typu dzikiego nazywany jest E. Recesywny wariant genu c.916T (allel e) prowadzi do utraty funkcji genu MC1R. Genotyp e/e objawia się czerwonym lub żółtym kolorem sierści.

Fenotypowa ekspresja allelu e jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Cecha koloru jest wyrażana tylko u osobników (e/e), którzy nabyli wariant genu c.916T od obojga rodziców. Heterozygotyczne osobniki E/e są nosicielami allelu e.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS, w zakresie akredytacji

Data wystawienia raportu: 06.02.2021
Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021
Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager

verified and certified document GENOMIA genetic laboratory

SAMPLE