

Detekcja wariantów genu c.916C>T MC1R  
genu (locus E) odpowiedzialnego za  
wybarwienie zabarwienie sierści u psów

**Klient:** Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

**Badany próbka:**

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

**Nazwisko:** Lassie DEMO

**Rasa:** Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: E/e

**Wyjaśnienie wyników**

Zbadano obecność wariantów genu c.916C>T genu MC1R (receptora melanokortyny 1). Pierwotny allel typu dzikiego nazywany jest E. Recesywny wariant genu c.916T (allel e) prowadzi do utraty funkcji genu MC1R. Genotyp e/e objawia się czerwonym lub żółtym kolorem sierści.

Fenotypowa ekspresja allelu e jest dziedziczona w sposób autosomalny recesywny. Cecha koloru jest wyrażana tylko u osobników (e/e), którzy nabyli wariant genu c.916T od obojga rodziców. Heterozygotyczne osobniki E/e są nosicielami allelu e.

Metoda: SOPAgriseq\_canine, ngs, w zakresie akredytacji

Data wystawienia raportu: 06.02.2021

Data przeprowadzenia testu: 01.02.2021 - 06.02.2021

Approved by: Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager



Genomia jest akredytowana zgodnie z normą ISO/IEC 17025:2018, numer akredytacji 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na [www.genomia.cz](http://www.genomia.cz), aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.