

Klient: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic**Badany próbką:**

Próbka: 21-12345

Data otrzymania: 01.02.2021

Typ próbki: krew

Informacje dostarczone przez klienta

Nazwisko: Lassie DEMO**Rasa:** Plemeno

Numer tatuażu: 1392013

Mikroczip: 123 456 789 012 345

Numer rejestracyjny: REGQ12345

Data urodzenia: 1.1.2020

Płeć: samica

Data pobrania: 01.02.2021

Tożsamość zwierzęcia została zweryfikowana.

Wynik: Mutacja nie została wykryta (N/N)**Legenda:** N/N = normalny genotyp. N/P = nosiciel mutacji. P/P = zmutowany genotyp (najprawdopodobniej będzie dotknięty tą chorobą). (N = negatywny; P = pozytywny)**Wyjaśnienie wyników**

Badano obecność lub brak mutacji c.5521G>A w genie MYH9, powodującej anomalię Maya-Hegglinga (MHA) u mopsów. MHA jest dziedziczną chorobą krwi charakteryzującą się zmniejszoną liczbą prawidłowych płytek krwi (małopłytkowością), obecnością nieprawidłowo dużych płytek krwi (makrotrombocytopenią) oraz obecnością wtrętów cytoplazmatycznych w krwinkach białych.

Mutacja powodująca MHA jest dziedziczona autosomalnie recesywnie, co oznacza, że choroba rozwija się wyłącznie u psów, które odziedziczyły zmutowany allel od obojga rodziców; choroba występuje tylko u psów o genotypie P/P. Psy o genotypie N/P są uznawane za nosicieli choroby (heterozygoty). W potomstwie dwóch osobników heterozygotycznych można oczekiwać następującego rozkładu genotypów: 25% N/N, 25% P/P i 50% N/P.

Metoda: SOP188-MPS-canine, MPS, w zakresie akredytacji**Data wystawienia raportu:** 06.02.2021**Data przeprowadzenia testu:** 01.02.2021 - 06.02.2021**Approved by:** Mgr. Martina Šafrová, Laboratory Manager

Genomia jest akredytowana zgodnie z normą ISO/IEC 17025:2018, numer akredytacji 1549.

Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic

www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999



Kod do weryfikacji raportu to 12AB-CD34-GENO-MIA0-EFGH. Przejdź na www.genomia.cz, aby zweryfikować raport.

Raport z wyników badań nie może być reprodukowany w inny sposób niż w całości bez zgody laboratorium.

Wynik odnosi się tylko do przebadanej próbki w stanie, w jakim została przyjęta. Genomia nie odpowiada za prawidłowość danych przekazanych przez klienta.

1 / 1