

**Příloha je nedílnou součástí**

**osvědčení o akreditaci č.: 221/2020 ze dne: 7. 4. 2020**

**Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:**

**Genomia s.r.o.**

**Genomia**

Republikánská 6, 312 00 Plzeň

*Laboratoř uplatňuje flexibilní přístup k rozsahu akreditace upřesněný v dodatku. Aktuální seznam činností prováděných v rámci flexibilního rozsahu je k dispozici na webových stránkách laboratoře <http://www.genomia.cz/cz/quality/>*

*Laboratoř poskytuje odborná stanoviska a interpretace výsledků zkoušek.*

**Zkoušky:**

Pořadové číslo <sup>1</sup>	Přesný název zkušebního postupu/metody	Identifikace zkušebního postupu/metody <sup>2</sup>	Předmět zkoušky
1.	Stanovení pohlaví ptáků PCR analýzou délky fragmentů CHD1 genu <sup>3</sup>	SOP18	Krev, genomová DNA, tkáň, peří
2.	Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity zvířat <sup>4</sup>	SOP35	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň, peří, žíně
3.	Neobsazeno		
4.	Detekce inserční či deleční mutace ve zvířecím genomu metodou fragmentační analýzy <sup>5</sup>	SOP171	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň, peří
5.	Detekce mutace ve zvířecím genomu metodou přímého sekvenování DNA <sup>6</sup>	SOP172	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň, peří
6.	Detekce mutace ve zvířecím genomu metodou PCR-RFLP <sup>7</sup>	SOP173	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň, peří, žíně
7.	Detekce mutace ve zvířecím genomu metodou real-time PCR-ASA <sup>8</sup>	SOP175	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň, peří
8.	Detekce inserční či deleční mutace ve zvířecím genomu PCR s elektroforetickou detekcí <sup>9</sup>	SOP176	Krev, stěr sliznice, genomová DNA, tkáň, peří
9.	Detekce mutace ve zvířecím genomu metodou PCR s detekcí HRM s využitím neznačené sondy lunaprobe <sup>10</sup>	SOP182	Krev, stěr sliznice, genomová DNA

## Příloha je nedílnou součástí

osvědčení o akreditaci č.: 221/2020 ze dne: 7. 4. 2020

### Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:

**Genomia s.r.o.**

**Genomia**

Republikánská 6, 312 00 Plzeň

Pořadové číslo <sup>1</sup>	Přesný název zkušebního postupu/metody	Identifikace zkušebního postupu/metody <sup>2</sup>	Předmět zkoušky
10.	Detekce expanze repetitivního 12-meru v NHLRC1 genu způsobující epilepsii Lafora u více plemen psů metodou ASA-PCR	SOP187-Lafora	Krev, stěr sliznice, genomová DNA

- <sup>1</sup> v případě, že laboratoř je schopna provádět zkoušky mimo své stálé prostory, jsou tyto zkoušky u pořadového čísla označeny hvězdičkou
- <sup>2</sup> u datovaných dokumentů identifikujících zkušební postupy se používají pouze tyto konkrétní postupy, u nedatovaných dokumentů identifikujících zkušební postupy se používá nejnovější vydání uvedeného postupu (včetně všech změn)
- <sup>3</sup> pro řády papoušci (Psittaciformes), dravci (Falconiformes), kukačky (Cuculiformes), měkkozobí (Columbiformes), hrabaví (Galliformes), pěvci (Passeriformes), brodiví (Ciconiiformes), sovy (Strigiformes)  
Část A) metodou fragmentační analýzy  
Část B) metodu ARMS
- <sup>4</sup> SOP035-pes: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity psů: stanovované markery INRA21, AHT137, REN169D01, AHTh260, AHTk253, INU005, REN169O18, INU055, FH2848, AHTk211, CXX279, REN54P11, INU030, Amelogenin, AHT121, FH2054, REN162C04, AHTh171, REN247M23, AHTh130, REN105L03, REN64E19  
SOP35-accipiter: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity u jestřába lesního (Accipiter gentilis): stanovované markery Age10, Age9, Age7, Age4,  $\mu$ Age1a, Age5, Age11, Age2  
SOP35-feline: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity koček: stanovované markery FCA 026, FCA 069, FCA 075, FCA 105, FCA 149, FCA 201, FCA 220, FCA 229, FCA 293, FCA 310, FCA 441, FCA 453, FCA 649, FCA 678, ZFX  
SOP35-amazona: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity papoušků rodu Amazona: stanovované markery AgGT21, AgGT12, AgGT29, AgGT72, AgGT83  
SOP35-ara: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity papoušků rodu Ara: stanovované markery UnaCT55, UnaCT32, UnaCT21, UnaCT74, UnaCT43  
SOP35-kakadu: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity papoušků rodu Kakadu: stanovované markery pCIA119, pCIA125, pCIA 139, pCIA105, pCID7, pCIA118, pCIA128, pCID109, pCI8  
SOP35-equine: Určování genetického profilu metodou fragmentační analýzy a ověřování parentity koní: stanovované markery VHL20, AHT5, HMS2, AHT4, HTG10, LEX3, ASB23, HMS1, ASB2, HTG6, HMS3, HTG4, CA425, HMS6, HTG7, ASB17, HMS7
- <sup>5</sup> SOP171-MDR1: Detekce mutace c.295\_298delAGAT ABCB1 genu způsobující u psů lékovou senzitivitu metodou fragmentační analýzy  
SOP171-CMAH: Detekce mutace inserce 18 bp v pozici -53 5'UTR genu CMAH podmiňující fenotyp krevní skupiny koček metodou fragmentační analýzy

## **Příloha je nedílnou součástí**

**osvědčení o akreditaci č.: 221/2020 ze dne: 7. 4. 2020**

### **Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:**

**Genomia s.r.o.**

**Genomia**

Republikánská 6, 312 00 Plzeň

- SOP171-HC: Detekce mutací g.85286582insC a g.85286582delC genu HSF4 způsobující onemocnění HC u různých plemen psů metodou fragmentační analýzy
- SOP171-XLPRA: Detekce mutace c.1028\_1032delGAGAA genu RPGR způsobující onemocnění XLPRA1 u plemene samojed a sibiřský husky metodou fragmentační analýzy
- SOP171-TNS: Detekce mutace g.4411956\_441190delGTTT genu VPS13B způsobující onemocnění TNS u plemene border kólií metodou fragmentační analýzy
- 6 SOP172-OLFML3\_1: Detekce mutace c.590G>A OLFML3 genu způsobující predispozici pro onemocnění goniodysgenesis a glaukom u border kólií metodou přímého sekvenování DNA
- 7 SOP173-cystinurie: Detekce mutace c.586C>T exonu 2 genu SLC3A1 způsobující cystinurii u plemene Novofundlanského psa a plemene Landseer metodou PCR-RFLP
- SOP173-MC: Detekce mutace c.803C>T CLCN1 genu způsobující kongenitální myopatii u plemene miniaturních kníračů metodou PCR-RFLP
- SOP173-WFFS: Detekce mutace c.2032G>A PLOD1 genu způsobující onemocnění WFFS u teplotkrevníků metodou PCR-RFLP
- 8 SOP175-FN: Detekce mutace c.115A>T exonu 3 genu COL4A4 způsobující familiární nefropatii u plemene anglického kokršpaněla metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-L2HGA: Detekce mutace c. [1297T>C;1299C>T] v exonu 10 genu L2HGDH způsobující onemocnění L2HGA u stafordšírských bulteriérů metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-SCA: Detekce mutace c.627C>G KCNJ10 způsobující onemocnění SCA u Parson Russell a Jack Russell Teriérů metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-HCM-MM: Detekce mutace c.91G>C genu MYBPC3 genu způsobující HCM u mainských mývalích koček metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-HCM-RAG: Detekce mutace c.2458C>T MYBPC3 genu způsobující HCM u koček plemene ragdoll metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-PKD: Detekce mutace c.10063C >A exonu 29 PKD1 genu u koček způsobující onemocnění PKD metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-PLL: Detekce mutace c.1473+1G>A ADAMTS17 genu způsobující onemocnění PLL u různých plemen psů metodou real-time PCR-ASA
- SOP175-MDR1: Detekce mutace c.295\_298delAGAT ABCB1 genu způsobující u psů lékovou senzitivitu metodou real-time PCR-ASA
- 9 SOP176-BNAt: Detekce mutace inserce retrotranspozonu v genu GRM1 způsobující onemocnění BNAt u plemene Coton de Tulear metodou ASA-PCR
- SOP176-FS: Detekce mutace g.38013703\_38014019del exonu 14 a 3'UTR oblasti FAN1 genu způsobující Fanconiho syndrom u Basenji metodou ASA-PCR
- 10 SOP182-PCD: Detekce mutace c.286C>T genu CCDC39 způsobující onemocnění PCD u plemene bobtail metodou PCR s detekcí HRM s využitím neznačené sondy lunaprobe
- SOP182-PLL: Detekce mutace c.1473+1G>A ADAMTS17 genu způsobující onemocnění PLL u různých plemen psů metodou PCR s detekcí HRM s využitím neznačené sondy lunaprobe
- SOP182-CMR2: Detekce mutace c.482G>A VMD2 genu způsobující u psů onemocnění CMR2 metodou PCR s detekcí HRM s využitím neznačené sondy lunaprobe

## Příloha je nedílnou součástí

osvědčení o akreditaci č.: 221/2020 ze dne: 7. 4. 2020

**Akreditovaný subjekt podle ČSN EN ISO/IEC 17025:2018:**

**Genomia s.r.o.**

**Genomia**

Republikánská 6, 312 00 Plzeň

SOP182-vWDI: Detekce mutace c.7437G>A exonu 43 VWF genu způsobující onemocnění vWD typ I u různých plemen psů metodou PCR s detekcí HRM s využitím neznačené sondy lunaprobe

SOP182-NCLA: Detekce mutace c.296G>A ARSG genu způsobující onemocnění NCL-A u amerických staffordširských teriérů a amerických pitbullteriérů metodou PCR s detekcí HRM s využitím neznačené sondy lunaprobe

Dodatek:

Flexibilní rozsah akreditace

Pořadová čísla zkoušek
1,2,4,5,6,7,8,9

Laboratoř může modifikovat v dodatku uvedené zkušební metody v dané oblasti akreditace při zachování principu měření. U zkoušek v dodatku neuvedených nemůže laboratoř uplatňovat flexibilní přístup k rozsahu akreditace.

Zkratky:

PCR	– polymerasová řetězová reakce
PCR-RFLP	– polymerasová řetězová reakce s následným restričním štěpením
ASA	– Allele Specific Amplification
PKD	– polycystická nemoc ledvin
HCM	– hypertrofická kardiomyopatie
XLPR	– X vázaná progresivní retinální atrofie
HC	– hereditární katarakta
CMR2	– Canine Multifocal Retinopathy 2
PLL	– primary lens luxation
vWD	– von Willebrand disease
TNS	– Trapped neutrophil syndrome
BNAt	– Bandera's neonatal ataxia
HRM	– high resolution melting
ARMS	– amplification refractory mutation systém
PCD	– primární ciliární dyskineze
L2HGA	– L-2-hydroxyglutarová acidurie
NCL-A	– neuronální ceroidní lipofuscinóza typ A
FS	– Fanconiho syndrom
WFFS	– Syndrom fragilních hřbat teplokrevníků