

**Zákazník:** Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

### Společně vyšetřované osoby

#### Dítě

Vzorek: 08-12380  
 Jméno: Jana Nováková DEMO  
 Datum narození: 31.12.1991  
 Datum odběru: 03.03.2009  
 Datum přijetí vzorku: 03.03.2009  
 Vyšetřovaný materiál: stěr ústní sliznice

#### Domnělý otec

Vzorek: 08-12350  
 Jméno: Jiří Novák DEMO  
 Datum narození: 31.12.1962  
 Datum odběru: 03.03.2009  
 Datum přijetí vzorku: 03.03.2009  
 Vyšetřovaný materiál: krev

Marker	Dítě	Domnělý otec	Paternitní index PI
FGA	21/26	21/26	12.2411257700
D13S317	8/9	8/13	1.9157088120
D21S11	28/30	30/31.2	1.0997141600
D2S1338	17/20	16/17	1.3818407960
D3S1358	16/16	17/18	0.0
CSF1PO	9/11	10/10	0.0
D5S818	10/12	11/12	0.6478745464
D16S539	12/13	9/12	0.7823060075
D7S820	11/12	10/11	1.2081923630
TPOX	8/9	8/11	0.4552157291
TH01	7/9.3	6/9.3	0.7789719626
D8S1179	13/14	10/12	0.0
D18S51	13/15	14/14	0.0
vWA	14/17	15/16	0.0
D19S433	13/14	13/14	1.6982629090
Amelogenin	X/X	X/Y	
<b>Celkový paternitní index (CPI)</b>		0.0000	
<b>Pravděpodobnost otcovství (W)</b>		<0.01 %	
<b>Výchozí pravděpodobnost otcovství</b>		50 %	

**Interpretace:** Analýza byla provedena diagnostickou soupravou Investigator IDplex Plus (Qiagen). Vyhodnocení bylo provedeno na základě genotypizace mikrosatelitů, ve smyslu Mendelových zákonů dědičnosti těchto znaků, Hardy–Weinbergovy rovnováhy a na základě použití Bayesovy věty a věrohodnostního poměru. DNA profily potenciálního otce a potomka byly společně posuzovány a byla hodnocena paternita. Bylo nalezeno **5** nekompatibilních markerů z celkového počtu 15 testovaných markerů mezi potenciálním otcem a potomkem, což dle Hummelova slovního hodnocení znamená, že je **otcovství prakticky vyloučeno**.

Laboratoř nemá možnost prokázat, že jména osob na vzorcích patří skutečným původcům vzorků. Správné označení a přiřazení vzorků je zodpovědností vyšetřovaných osob.

Pro výpočty byly použity proporcionálně snížené populační frekvence z publikace Šimková, H., Faltus, V., Marvan, R., et al. Allele frequency data for 17 short tandem repeats in a Czech population sample. Forensic Science International: Genetics, 2009, vol. 4, no. 1, p. e15-e17.

Metoda: SOP165, fragmentační analýza STR markerů, datum vystavení zprávy: 03.03.2009  
Jméno odpovědné osoby: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
[www.genomia.cz](http://www.genomia.cz), [laborator@genomia.cz](mailto:laborator@genomia.cz), tel: +420 373 749 999