

Детектирование мутаций с.2685delA и с.2687_2688insTAGCTA гена CNGB1, являющихся причиной Pap-PRA 1 у собак пород Фален и Папильон

Клиент: Jan Novák, Dlouhá 1, 30000 Plzeň, Czech Republic

Тестируемый образец:

Образец: 08-12345

Дата получения анализа: 25.11.2008

Исследуемый материал: кровь

Информация, предоставленная заказчиком:

Имя: Lassie DEMO

Порода: ---

Номер татуировки: 1392013

Микрочип: 123 456 789 012 345

Регистрационный номер: REGQ12345

День рождения: 31.12.1909

Пол: самка

Дата выборки: 25.11.2008

При взятии образца была проверена личность животного.

Результат: Мутация не была детектирована (N/N)

Примечания: N/N = нормальный генотип. N/P = носитель мутации. P/P = мутированный генотип (у животного, скорее всего, проявится болезнь). (N = негативный; P = позитивный)

Комментарий к результату

Было проведено обследование на наличие/отсутствие мутаций с.2685delA и с.2687_2688insTAGCTA гена CNGB1, являющихся причиной Pap-PRA1 у собак пород Фален и Папильон. Прогрессирующая атрофия сетчатки (PRA) характеризуется очень быстрой потерей функций фоторецепторов.

Мутация передается аутосомно-рецессивным наследованием. Заболевание проявляется у особей, которые получили мутированный ген от обоих родителей. Данные особи обозначаются как P/P (мутированный гомозигот). Носители мутированного гена, обозначаемые как N/P (гетерозигот), получили мутированный ген лишь от одного из родителей, клинические признаки заболевания у них отсутствуют; однако носители передают заболевание своим потомкам. Теоретически в результате спаривания двух гетерозигот (N/P) 25% потомства будут здоровыми, 50% будут носителями, а 25% потомства унаследуют от своих родителей мутированные гены и будут страдать данным генетическим заболеванием.

Метод: SOP171-papPRA1, Фрагментационный анализ

Дата выставления отчета: 30.11.2008

Дата проведения теста: 25.11.2008 - 30.11.2008

Утвердила: Mgr. Martina Šafrová, Ведущий лаборатории



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999